

Zeitschrift: Horizons : le magazine suisse de la recherche scientifique
Band: 32 (2020)
Heft: 126: Salut la science, qu'apprends-tu de la crise?

Artikel: La mouche qui a conquis le monde
Autor: Vahlensieck, Yvonne
DOI: <https://doi.org/10.5169/seals-918485>

Nutzungsbedingungen

Die ETH-Bibliothek ist die Anbieterin der digitalisierten Zeitschriften. Sie besitzt keine Urheberrechte an den Zeitschriften und ist nicht verantwortlich für deren Inhalte. Die Rechte liegen in der Regel bei den Herausgebern beziehungsweise den externen Rechteinhabern. [Siehe Rechtliche Hinweise.](#)

Conditions d'utilisation

L'ETH Library est le fournisseur des revues numérisées. Elle ne détient aucun droit d'auteur sur les revues et n'est pas responsable de leur contenu. En règle générale, les droits sont détenus par les éditeurs ou les détenteurs de droits externes. [Voir Informations légales.](#)

Terms of use

The ETH Library is the provider of the digitised journals. It does not own any copyrights to the journals and is not responsible for their content. The rights usually lie with the publishers or the external rights holders. [See Legal notice.](#)

Download PDF: 06.10.2024

ETH-Bibliothek Zürich, E-Periodica, <https://www.e-periodica.ch>

La mouche qui a conquis le monde

Qu'il fasse chaud ou froid, sec ou humide: la mouche du vinaigre se sent bien presque partout. Un projet commun européen étudie comment l'évolution lui permet de s'adapter à de nouveaux biotopes.

Texte Yvonne Vahlensieck

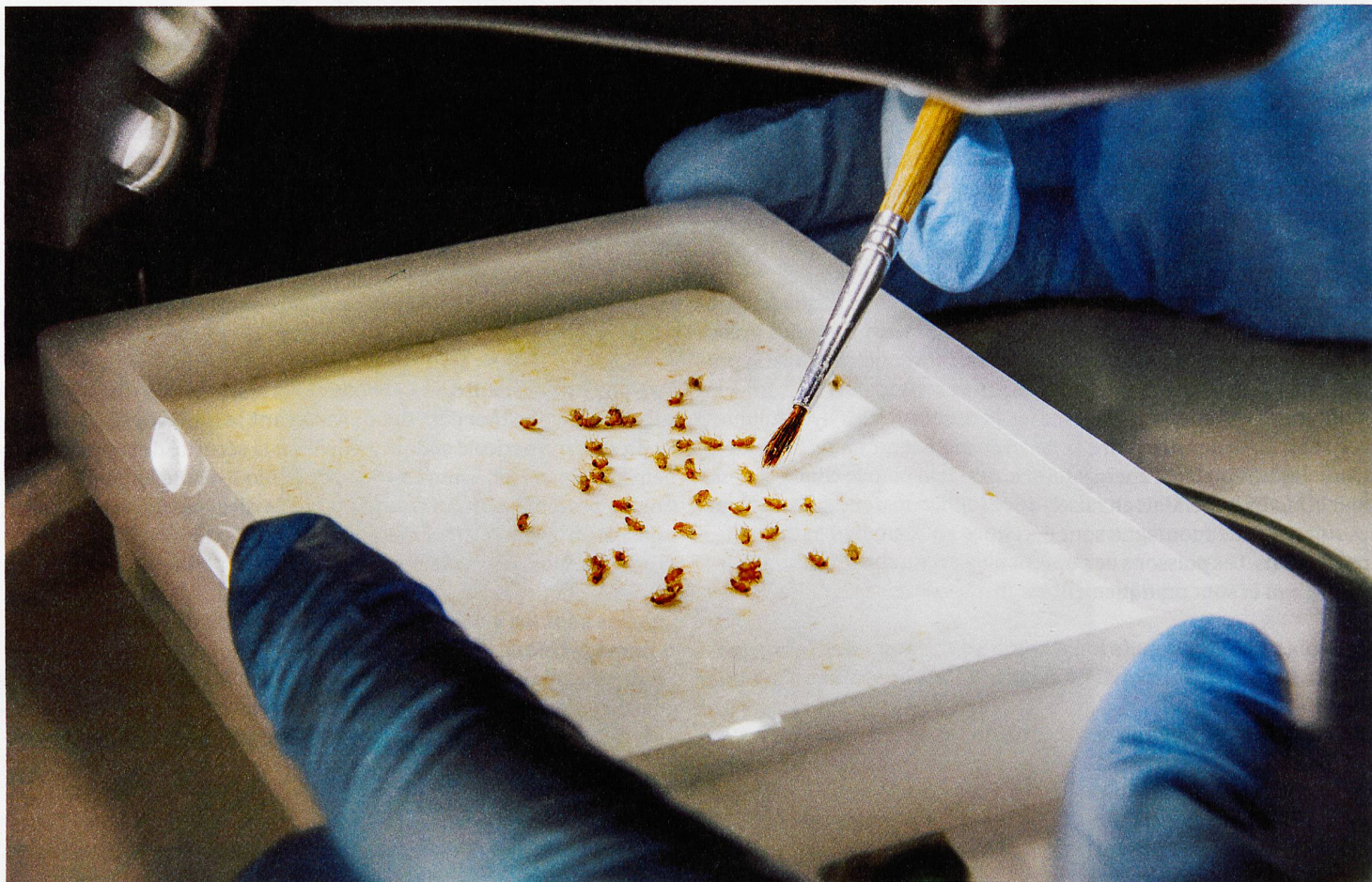


Photo: IRD/Vectopole Sud/Patrick Landmann/Science Photo Library

Chaque mouche est différente. Une variante du gène de la paresse leur donne un avantage lors d'hivers rudes.

«De la banane, de la levure et peut-être une gorgée de bière», voilà la mixture idéale pour attirer les mouches du vinaigre dans une bouteille en PET décrite par Martin Kapun. Équipés de ces simples pièges, des biologistes ont parcouru l'Europe durant l'été 2014 pour collecter des échantillons en vue d'un projet de recherche commun. L'objectif était de découvrir comment une espèce se propage et comment elle parvient à s'adapter à des conditions climatiques très différentes.

La mouche du vinaigre *Drosophila melanogaster*, surtout connue comme une hôte importune dans la cuisine, constitue un objet

d'étude idéal pour répondre à ces questions. C'est un organisme modèle bien connu de la recherche biologique et l'histoire de ses migrations est passionnante: originaire d'Afrique, elle a commencé à se propager en Europe et en Asie, puis en Amérique et en Australie il y a environ 10 000 ans. Elle a probablement suivi les humains, avec un décalage, lorsqu'ils ont commencé à cultiver des fruits.

«Le génome de cette mouche est comme un livre où est consignée l'histoire de ses migrations et de son évolution», explique Martin Kapun, biologiste de l'évolution à l'Université de Zurich et l'un des fondateurs et des coordonnateurs

du consortium Dros-EU (voir encadré: «Recherche en très large équipe»). Pour comprendre ce livre, les membres du groupe ont séquencé le génome de 48 populations européennes de mouches – du Portugal à l'Ukraine et de la Turquie à la Finlande. Ils ont ensuite cherché les différences génétiques qui montrent comment le génome des mouches s'est adapté et modifié.

Les analyses ont montré que les populations sont génétiquement différentes, surtout entre l'est et l'ouest de l'Europe. «Cette séparation en fonction de la longitude nous a surpris. En fait, nous l'aurions plutôt attendue

Recherche en très large équipe

Le **consortium Dros-EU** comprend actuellement 61 groupes de recherche venant de 29 pays – une étude parue cette année cite 45 auteurs. Ce n'est pas toujours simple de satisfaire tout le monde, relève Martin Kapun. Un **catalogue de critères** définit qui est cité comme **coauteur** et tous doivent donner leur aval au texte. La coordination générale du projet prend aussi beaucoup de temps et demande de bonnes compétences en gestion. Mais l'effort en vaut vraiment la peine. Un groupe de recherche n'aurait jamais pu réaliser à lui seul cette **analyse à l'échelle européenne**. En outre, cette collaboration permet de constituer des **réseaux précieux** pour l'échange de connaissances et de nouvelles collaborations. C'est aussi pourquoi Dros-EU travaille avec un consortium analogue en Amérique du Nord et va maintenant s'étendre à l'Amérique du Sud et à l'Australie.

entre le sud et le nord», dit Martin Kapun. Une comparaison avec les données climatiques a montré une corrélation claire entre l'importance des variations climatiques saisonnières et les différences génétiques. C'est pourquoi les chercheurs présumant que les mouches se sont adaptées autant au climat océanique de l'ouest influencé par le Gulf Stream qu'au climat continental et à ses extrêmes dans l'est de l'Europe. Une autre explication des différences génétiques actuelles pourrait être le type de repeuplement après la dernière glaciation – à partir de deux refuges longtemps séparés sur la péninsule Ibérique et au Proche-Orient.

Mais lesquels de ces changements évolutifs se sont-ils produits dans le génome des drosophiles au cours de cette migration? Des analyses informatiques permettent de le déterminer: «Il y a déjà un bon moment qu'on dispose de la théorie en la matière», dit le généticien des populations et bio-informaticien Laurent Excoffier de l'Université de Berne. «Toutefois, compte tenu des grandes séries de données désormais disponibles, il faut l'affiner.» Le défi est ici de distinguer dans les différences génétiques celles qui viennent effectivement d'une adaptation due à la sélection naturelle et celles qui résultent d'un autre mécanisme – par exemple lorsqu'une toute petite population de faible diversité génétique s'installe dans un nouveau territoire.

Plus confortable durant l'hiver

En principe, une population présente plusieurs variantes d'un gène. Mais lorsqu'une de ces variantes procure soudain un avantage, par exemple pour survivre dans le froid, elle écarte progressivement les autres – il s'agit d'une sélection positive.

Au moyen de méthodes statistiques, Martin Kapun et son équipe ont identifié de nombreuses variantes issues d'une sélection positive. Une variante de ce qu'on peut appeler un gène de la paresse explique probablement que les mouches observent une pause hivernale dans la reproduction – une caractéristique qui ne jouait guère de rôle dans leur région d'origine, l'Afrique, mais qui s'avère essentielle pour la survie en Russie. Pour certains autres gènes identifiés, les chercheurs n'ont pas encore établi de lien clair avec les conditions climatiques. Des recherches supplémentaires seront nécessaires.

«Dans quelle mesure les espèces peuvent s'adapter à leur environnement soulève des questions passionnantes», estime Cleo Bertelsmeier, professeure d'écologie à l'Université de Lausanne. Elle-même étudie comment les

espèces invasives réussissent à s'établir dans de nouveaux biotopes. «Nous ignorons encore par exemple si et à quelle vitesse les insectes amenés par le commerce des fruits peuvent s'adapter à un nouveau climat.» Le comprendre est pourtant très important.

Certains insectes peuvent détruire des récoltes entières, par exemple la mouche méditerranéenne des fruits qui vient également d'Afrique. Elle s'est propagée en Suisse au cours des dernières années et a déjà attaqué des pommiers de la région zurichoise. Les connaissances acquises sur l'évolution pourraient contribuer à une meilleure évaluation des risques liés à l'introduction de tels nuisibles et permettre de prendre les mesures adéquates. D'autres espèces d'insectes envahissantes pourraient aussi s'avérer dangereuses pour l'homme, en particulier le moustique tigre asiatique, qui peut transmettre la fièvre jaune. Cleo Bertelsmeier relève un autre point intéressant: «Une grande question encore sans réponse est de savoir ce qu'il adviendra de nos espèces indigènes si les températures augmentent subitement de 1 ou 2 degrés en raison du changement climatique.»

«Pour répondre à de telles questions, il est certainement préférable d'étudier l'évolution sur le terrain plutôt qu'en laboratoire», dit Laurent Excoffier. Les expériences en laboratoire ne sont pas représentatives parce qu'il peut y avoir des consanguinités et une adaptation aux conditions d'élevage en laboratoire. «Nous avons maintenant la possibilité d'examiner sur le terrain l'intégralité du génome de certaines populations et de constater précisément où a lieu l'évolution ainsi que les gènes et les métabolismes impliqués.»

Les données ne livrent pas des informations que sur l'évolution des mouches. Les chercheurs ont pu également séquencer leur microbiome, soit les bactéries, champignons et virus qu'elles portent. Là aussi, ils ont découvert dans les génomes des différences en corrélation avec le climat. Ils vont maintenant examiner si ces sous-locataires aident leurs hôtes à s'adapter à de nouveaux habitats.

Yvonne Vahlensieck est journaliste scientifique indépendante près de Bâle.